

REF TD-42695

3diag - sTRF - ADV

Receptor Soluble de la Transferrina - para ADVIA®

ANEXO a IFU: ADVIA® Chemistry XPT System - Aplicación

ADVIA® y sus marcas asociadas son marcas registradas de Siemens Healthcare

Condiciones analíticas					
Nº de condición	162				
Tiempo de reacción	10 minutos				
Código del reactivo	1515				
Versión	0.0			Definición de muestra de suero - Original	Definición de muestra de orina - Original
	Definición de reactivo R1	Definición de reactivo R2			
Posiciones	33	33	Volumen de muestra	25	3
Volumen	80	20	Método de dilución	Especial	Estándar
Volumen de diluyente	0	0	Volumen de muestra de dilución	6	30
Mezcla	Débil	Débil	Volumen de diluyente	114	120
			Posición del diluyente	0	0

Definición de la subcondición			sTRF		
Nombre	sTRF	Nombre visualiz.	sTRF	Nombre de impresión	sTRF
Activar o Desactivar		☐ Activar	i	Desactivar	Código LIS sTRF
Longitud de onda principal		596 nm			
Longitud de onda secundaria		Ning.			

Condiciones de reanálisis		sTRF			
	Volumen de muestra de reacción	Método de dilución	Volumen de muestra de dilución	Volumen de diluyente	Posición del diluyente
Definición de repetición de suero (D1)	25	Especial	30	120	0
Definición de repetición de suero (D2)	25	Especial	5	120	0
Definición de repetición de orina (D1)	3	Ning.	0	0	0
Definición de repetición de orina (D2)	3	Ning.	0	0	0

REF TD-42695
3diag - sTfR - ADV
Receptor Soluble de la Transferrina - para ADVIA®

Configuración de método de cálculo				sTRF			
Decimales	2	Unidad	mg/L	Tipo de reacción	Aumentando		
Límite máximo	2,5	Valor límite	0,003	Varianza (indicador)	10		
Método de cálculo	EPA						
Puntos de detección de la reacción				Puntos de detección de prozona			
Avanzar punto	0	Punto de comprobación 1	0	Fórmula	Ning.	Límite de prozona	9,999
Medición principal				Medición principal de prozona			
Inicio (Punto m)	Fin (Punto n)		Inicio (Punto m)	Fin (Punto n)		Juzgar	
40	41		0	0		Límite superior	
Medición secundaria				Medición secundaria de prozona			
Inicio (Punto p)	Fin (Punto r)		Inicio (Punto p)	Fin (Punto r)		Juzgar el límite	
24	25		0	0		9,999	

Ajustes normales			sTRF	
Valores anormales	Alto	Bajo		
Suero	999999	-99999		
Orina	999999	-99999		

Configuración de método de punto final		sTRF	
Absorbancia del reanálisis (U)	Absorbancia del reanálisis (D)		
9,9999	-9,999		

Corrección en tiempo real				sTRF	
Suero					
Orina					
Factores	a	b	c	d	
Suero	0	0	0	0	
Orina	0	0	0	0	

REF TD-42695

3diag - sTfR - ADV

Receptor Soluble de la Transferrina - para ADVIA®

Configuración de calibración multipunto			sTRF			
Fórmula	Tipo de conversión de eje		Puntos	Tipo de curva		
Logit Log 3	Sin conversión		6	Aumentando		
Duplicados mínimos	Separación abstracta mínima			RMS máx de FIT		
2	0			999		
	RBL					
	p		Blanco es cero	..		Blanco - cualquier valor

#	Método de dilución	Volumen de muestra de dilución	Volumen de diluyente	Posición del diluyente	Desviación máxima Fit	Desviación máxima de duplicados
1	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999
2	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999
3	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999
4	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999
5	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999
6	Estándar	30	120	CTT-0	99999,99	9,9999

Configuración de blanco de reactivo			sTRF			
Duplicados						
Mínimo	1		Desviación máxima			9,99999
Valores						
Mínimo	-9,99999	Máximo	9,99999	Desviación máxima		9,99999

NOTAS

- Descartar el calibrador de valor inferior (nivel 1) del Set y sustituirlo por Solución Fisiológica para efectuar el Blanco de Reactivo del analizador (punto de concentración cero).
- Los valores de los calibradores a introducir en el analizador deben ser las concentraciones detalladas en la tabla de valores asignados del Set multiplicadas por 4 (factor entre las diluciones de los calibradores y las muestras).
- Para procesar los controles es necesario desactivar, para calibradores y controles, el sistema de detección de coágulos del analizador.
- Contactar con el Servicio de Asistencia al Cliente o representante de *Siemens Healthcare* para la programación del ensayo en otros analizadores de la serie *ADVIA® Chemistry Systems*.